

Ion 16S Metagenomics Kit and Ion Reporter metagenomics workflow solution

Culture-free rapid identification of polybacterial research samples using Ion Torrent sequencing systems

Vabilo na *brezplačno* delavnico: 24. in 25. marca 2020 med 9.00 in 16.00 uro v laboratoriju podjetja Omega d.o.o., Dolinškova cesta 8, 1000 Ljubljana.

Raziskovanje mikrobne biodiverzitete še vedno buri duhove. V naravnem okolju je identifikacija s tradicionalnimi tehnikami zelo okrnjena, zato v zadnjih letih metagenomika predstavlja ključ do novih odkritij na področju kompleksnih mikrobnih populacij iz različnih ekosistemov.

Metagenomika proučuje genski material vseh organizmov, prisotnih v nekem ekosistemu, s pomočjo sodobnih genetskih tehnik. Gre za proučevanje mikroorganizmov neposredno v njihovih naravnih okoljih, brez potrebe po izolaciji in laboratorijskemu gojenju posameznih vrst. Moderna molekularna tehnika imenovana naslednja generacija sekveniranja (next generation sequencing), je še posebej prispevala k razmahu metagenomike.

V podjetju **Omega d.o.o.**, partnerju **Thermo Fischer Scientific**, smo se odločili uporabnikom približati **postopek izvajanja metagenomskih analiz z naslednjo generacijo sekveniranja (NGS) Ion Torrent** in predstaviti novo **platformo apkNGS** kot del **elektronskega laboratorijskega dnevnika SciNote (www.scinote.net)**, ki omogoča elektronsko shranjevanje podatkov na enem mestu, natančno sledenje vzorcev, postopkov in rezultatov.



REPUBLIKA SLOVENIJA
MINISTRSTVO ZA GOSPODARSKI
RAZVOJ IN TEHNOLOGIJO



EVROPSKA UNIJA
EVROPSKI SKLAD ZA
REGIONALNI RAZVOJ

Informacije o poteku delavnice

“Culture-free rapid identification of polybacterial research samples using Ion Torrent sequencing systems”

Delavnica bo potekala 24. in 25. marca 2020 med 9.00 in 16.00 uro v laboratoriju podjetja Omega d.o.o., Dolinškova cesta 8, 1000 Ljubljana.

Na dvodnevni delavnici bomo predstavili tehnologijo sekveniranja naslednje generacije Ion Torrent v metagenomiki ter prednosti uporabe elektronskega laboratorijskega dnevnika.

Prvi dan bomo pripravili DNA knjižnico, primerno za sekveniranje, drugi dan pa izvedli sekveniranje na čipu in analizo rezultatov. Laboratorijsko delo bomo načrtovali in dokumentirali v elektronskem laboratorijskem dnevniku SciNote, na platformi apkNGS.

Delavnico bodo vodili **dr. Simon Koren (Omega d.o.o.)**, **dr. Nataša Toplak (Omega d.o.o.)** in **dr. Saša Trkov Bobnar (BioSistemika)**.

Delavnica je **brezplačna**.

Prijavite se lahko po elektronski pošti: omega@omega.si. Več informacij dobite pri dr. Nataši Toplak ali dr. Simonu Korenu.

Udeleženci boste prejeli **potrdilo o udeležbi**. Prijava je obvezna zaradi organizacije dela in majhnosti skupine (6 ljudi).

V primeru velikega števila prijav bomo delavnico ponovili.

Z veseljem vas pričakujemo v našem laboratoriju.

Lep pozdrav,

Ekipa Omega d.o.o. in BioSistemika



REPUBLIKA SLOVENIJA
MINISTRSTVO ZA GOSPODARSKI
RAZVOJ IN TEHNOLOGIJO



EVROPSKA UNIJA
EVROPSKI SKLAD ZA
REGIONALNI RAZVOJ